```
                1                   10                  20                  30                  40                  50                  60                  70                  80
Consensus       MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
Identity        ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
1. 17v2|RL2    MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
2. F|RL2        MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
3. H129|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDS-DSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
4. KOS|RL2      MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
5. McKr|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
6. HF10|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
7. CR38|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
8. E03|RL2      MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRELPDSSDSEAETEVGGRGDADPHHDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGVVSGGS
9. E06|RL2      MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
10. E07|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
11. E08|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
12. E10|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
13. E11|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
14. E12|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
15. E13|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
16. E14|RL2     MEPRPGASTRRLEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
17. E15|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
18. E19|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
19. E22|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
20. E23|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
21. E25|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
22. E35|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
23. R11|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
24. R62|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
25. S23|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS
26. S25|RL2     MEPRPGASTRRPEGRPQREPAPDVWVFPCDRDLPDSSDSEAETEVGGRGDADHHDDDSASEADSTDTELFETGLLGPQGVDGGAVSGGS

                90                  100                 110                 120                 130                 140                 150                 160                 170
Consensus       PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCDTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
Identity        ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
1. 17v2|RL2    PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCDTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
2. F|RL2        PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCDTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
3. H129|RL2     PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCDTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
4. KOS|RL2      PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCDTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
5. McKr|RL2     PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCDTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
6. HF10|RL2     PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCDTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
7. CR38|RL2     PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCDTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
8. E03|RL2      PPLEEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCDTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
9. E06|RL2      PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCNTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
10. E07|RL2     PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCDTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
11. E08|RL2     PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCNTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
12. E10|RL2     PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCNTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
13. E11|RL2     PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCNTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
14. E12|RL2     PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCDTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
15. E13|RL2     PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCDTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
16. E14|RL2     PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCDTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
17. E15|RL2     PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCNTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
18. E19|RL2     PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCNTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
19. E22|RL2     PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCDTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI
20. E23|RL2     PPREEDPGSCGGAPPREDGGSDEGDVCAVCTDEIAPHLRCNTFPCMHRFCIPCMKTWMQLRNTCPLCNAKLVYLIVGVTPSGSFSTIPI

                180                 190                 200                 210                 220                 230                 240                 250                 260
Consensus       VNDPQTRMEAEEAVRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
Identity        ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
1. 17v2|RL2    VNDPQTRMEAEEAVRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
2. F|RL2        VNDPQTRMEAEEAVRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
3. H129|RL2     VNDPQTRMEAEEAVRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
4. KOS|RL2      VNDPQTRMEAEEAVRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
5. McKr|RL2     VNDPQTRMEAEEAVRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGTAAPPVT
6. HF10|RL2     VNDPQTRVEAEEAVMAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
7. CR38|RL2     VNDPQTRMEAEEAVRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
8. E03|RL2      VNDPQTRMEAEEAVRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
9. E06|RL2      VNDPQTRMEAEEAIRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
10. E07|RL2     VNDPQTRMEAEEAIRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
11. E08|RL2     VNDPQTRMEAEEAIRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
12. E10|RL2     VNDPQTRMEAEEAIRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
13. E11|RL2     VNDPQTRMEAEEAIRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
14. E12|RL2     VNDPQTRMEAEEAVRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
15. E13|RL2     VNDPQTRMEAEEAVRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
16. E14|RL2     VNDPQTRMEAEEAVRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
17. E15|RL2     VNDPQTRMEAEEAIRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
18. E19|RL2     VNDPQTRMEAEEAIRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
19. E22|RL2     VNDPQTRMEAEEAVRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
20. E23|RL2     VNDPQTRMEAEEAIRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
21. E25|RL2     VNDPQTRMEAEEAIRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
22. E35|RL2     VNDPQTRMEAEEAIRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
23. R11|RL2     VNDPQTRMEAEEAVRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
24. R62|RL2     VNDPQTRMEAEEAVRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
25. S23|RL2     VNDPQTRMEAEEAVRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT
26. S25|RL2     VNDPQTRMEAEEAVRAGTAVDFIWTGNQRFAPRYLTLGGHTVRALSPTHPEPTTDEDDDDLDDADYVPPAPRRTPRAPPRRGAAAPPVT

                270                 280                 290                 300                 310                 320                 330                 340                 350
Consensus       GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSGG---GGGSRQSRAAAPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
Identity        ||||||||||||||||||||||||||||||||||||-||||---||||||||||||||||||||||--||||||||||||||||||||
1. 17v2|RL2    GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSGG---GGGSRQSRAAAPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
2. F|RL2        GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSGG---GGGSRQSRAAAPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
3. H129|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSGG---GGGSRQSRAAAPRGASGPSGGVGVGVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
4. KOS|RL2      GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSG----GGGSRQSRAAVPRGASGPSGGV----GVVEAEAGRPRGRTGPLV
5. McKr|RL2     GGASNAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSG----GGGSRQSRAAAPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
6. HF10|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSGG---GGGSRQSRAAVPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
7. CR38|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPQGSSNTNPTTN-SSGG---GGGSRQSRAAAPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
8. E03|RL2      GAASHAAPQPAAARTAPPSAPTGPHGSSNTNTTTN-SGG----GGGSRQSRAAAPRGATGPSGGVGVGVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
9. E06|RL2      GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSGG---GGGSRQSRAAAPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
10. E07|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSGG---GGGSRQSRAAAPRGASGPSGGVGVGVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
11. E08|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSG----GGGSRQSRAAAPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
12. E10|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSGG---GGGSRQSRAAAPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
13. E11|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSGG---GGGSRQSRAAAPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
14. E12|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSGG---GGGSRQSRAAAPRGASGPSGGVGVGVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
15. E13|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSG----GGGSRQSRAAAPRGASGPSGGVGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
16. E14|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSGG---VGGSRQSRAAAPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
17. E15|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSGG---GGGSRQSRAAAPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
18. E19|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSG----GGGSRQSRAAAPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
19. E22|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSGG---GGGSRQSRAAAPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
20. E23|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSGG---GGGSRQSRAAAPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
21. E25|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSGG---GGGSRQSRAAAPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
22. E35|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSGG---GGGSRQSRAAAPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
23. R11|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNPTTN-SSG----GGGARQSRAAVPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
24. R62|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSG----GGSRQSRAAVPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
25. S23|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSG----GGSRQSRAAVPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV
26. S25|RL2     GGASHAAPQPAAARTAPPSAPIGPHGSSNTNTTTN-SSG----GGSRQSRAAVPRGASGPSGGV--GVGVGVVEAEAGRPRGRTGPLV

                360                 370                 380                 390                 400                 410                 420                 430                 440
Consensus       NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASSAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
Identity        ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
1. 17v2|RL2    NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASAAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
2. F|RL2        NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPTASSAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAP--------ADARRVP
3. H129|RL2     NRPAPLATNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASSAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
4. KOS|RL2      NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASAAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
5. McKr|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASSAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
6. HF10|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASSAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
7. CR38|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASAAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
8. E03|RL2      NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASSAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRGP
9. E06|RL2      NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASSAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
10. E07|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASAAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
11. E08|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASSAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
12. E10|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASSAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
13. E11|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASSAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
14. E12|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASAAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
15. E13|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASSAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
16. E14|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASAAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
17. E15|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASSAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
18. E19|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASSAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
19. E22|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASSAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
20. E23|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASSAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
21. E25|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASSAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
22. E35|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASSAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
23. R11|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASAAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
24. R62|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASAAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
25. S23|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASAAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP
26. S25|RL2     NRPAPLANNRDPIVISDSPPASPHRPPAAPMPGSAPRPGPPASAAASGPARPRAAVAPCVRAPPPGPGPRAPAPGAEPAARPADARRVP

                450                 460                 470                 480                 490                 500                 510                 520                 530
Consensus       QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
Identity        ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||     ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
1. 17v2|RL2    QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAAPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
2. F|RL2        QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
3. H129|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAAPLPSAVSVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
4. KOS|RL2      QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAPSGAAPSGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
5. McKr|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGRTP-----SGAAPLPSAVSVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
6. HF10|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAAPLPSAVSVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
7. CR38|RL2     QSHSSLAQATNQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAPSGAAPSGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
8. E03|RL2      QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPPRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
9. E06|RL2      QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
10. E07|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
11. E08|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
12. E10|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
13. E11|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
14. E12|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
15. E13|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
16. E14|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
17. E15|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
18. E19|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
19. E22|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPPRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
20. E23|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
21. E25|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
22. E35|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
23. R11|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
24. R62|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
25. S23|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL
26. S25|RL2     QSHSSLAQAANQEQSLCRARATVARGSGGPGVEGGHGPSRGAAP-----SGAPPLPSAASVEQEAAVRPRKRRGSGQENPSPQSTRPPL

                540                 550                 560                 570                 580                 590                 600                 610                 620
Consensus       APAGAKRAATHPPSDSGPGGRGQGGPGTPLTSSAASASSSSA-----SSSSAPTPAGAASSAAGAASSSASASSGGAVGALGGRQEETS
Identity        ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||     ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
1. 17v2|RL2    APAGAKRAATHPPSDSGPGGRGQGGPGTPLTSSAASASSSSA-----SSSSAPTPAGAASSAAGAASSSASASSGGAVGALGGRQEETS
2. F|RL2        APAGAKRAATHPPSDSGPGGRGQGGPGTPLTSSAASASSSSA-----SSSSAPTPAGAASSAAGAASSSASASSGGAVGALGGRQEETS
3. H129|RL2     APAGAKRAATHPPSDSGPGGRGQGGPGTPLTSSAASASSSSA-----SSSSAPTPAGAASSAAGAASSSASASSGGAVGALGGRQEETS
4. KOS|RL2      APAGAKRAATHPPSDSGPGGRGQGGPGTPLTSSAASASSSSA-----SSSSAPTPAGATSSATGAASSSASASSGGAVGALGGRQEETS
5. McKr|RL2     APAGAKRAATHPPSDSGPGGRGQGGPGTPLTSSAASASSSSA-----SSSSAPTPAGAASSAAGAASSSASASSGGAVGALGGRQEETS
6. HF10|RL2     APAGAKRAATHPPSDSGPGGRGQGGPGTPLTSSAASASSSSA-----SSSSAPTPAGAASSAAGAASSSASASSGGAVGALGGRQEETS
7. CR38|RL2     APAGAKRAATHPPSDSGPGGRGQGGPGTPPTSSAASASSSSA-----SSSSAPTPAGATSSATGAASSSASASSGGAVGALGGRQEETS
8. E03|RL2      APAGAKRAATHPPSDSGPGGRGQGGPGTPLTSSAASASSSSVSA-SASSSAPTPAGAASSAAGAASSSASASSGGAVGALGGRQEETS
9. E06|RL2      APAGAKRAATHPPSDSGPGGRGQGGPGTPLTSSAAPASSSSA-----SSSSAPTPAGAASSAAGAASSSASASSGGAVGALGGRQEETS
10. E07|RL2     APAGAKRAATHPPSDSGPGGRGQGGPGTPLTSSAASASSSSA-----SSSSAPTPAGAASSAAGAASSSASASSGGAVGALGGRQEETS
11. E08|RL2     APAGAKRAATHPPSDSGPG
```